

**BIOLOGIYA FAKULTƏSİNİN MAGISTR TƏHSİL PİLLƏSİ
ÜÇÜN BİOİNFORMATİKADAN İMTAHAN SUALLARI
2019-2020**

1. Bioinformatikanın məqsəd və vəzifələri
2. Bioinformatikanın predmeti və inkişaf tarixi
3. Verilənlər bazası və onların təsnifatı
4. Verilənlər bazasının tipləri və əhəmiyyəti
5. Genomiks
6. Proteomiks
7. Gene-Bank, EMBL, DDBJ verilənlər bazası və onlar arasında əlaqə
8. Genetik materialların komputer analizi
9. ENSEMBL-İnsan genomu VB-sı
10. OMİUM, SCOP, CAT verilənlər bazası
11. Swiss-prot verilənlər bazaları
12. PİR və **ENTREZ** verilənlər bazası
13. Swis-prot, PDB- verilənlər bazası
14. Optimal bərabərləşdirmə.Clustal proqram paketi
15. Pfam –məlumat bazası
16. Nöqtəvi matris modeli
17. Qlobal və lokal bərabərləşdirmə (Nidelman Vunş və Smita Vaterman alqoritmləri)
18. Ardıcılıqların düzləndirilməsi metodları
19. Zülalların identik resursu-PİR, PDB
20. Nukleotid ardıcılıqlarının verilənlər bazası
21. KEGG və OMİM məlumat bazası
22. Eukariot genomunun annotasiyası
23. Prokariot genomunun annotasiyası
24. Genetik kodun daşdığı informasiya``
25. BLAST proqram paketi
26. FASTA formatı
27. Filogenetik ağacın qurulması
28. Bioinformatikanın infrastrukturunu
29. PHYLPİP proqramm paketi, PALİ məlumat bazası
30. Homoloqlar: ortoloqlar, paraloqlar və ksenoloqlar
31. Genetik alqoritm
32. İnsan genomunun annotasiyası
33. Filogeniya və fenetika
34. Genlər və Genomlar üzrə Kioto Ensiklopediyası – KEGG
35. NCBI
36. Entrez brauzeri
37. Fasta formatında ardıcılığın strukturu
38. Bioloji məlumat bazalarının şəbəkə brauzeri-SRS
39. EMBnet şəbəkəsi haqqında
40. PIR məlumat bazası
41. Clustal proqram paketi
42. Gene bank məlumat bazası
43. Zülal ardıcılığının məlumat bazaları
44. PSİ-Blast proqramı
45. Swis prot, KeGG, PALİ məlumat bazası

Tərtib edən:

b.e.n.S.T.Hümmətova

